

Федеральное государственное автономное образовательное  
учреждение высшего образования «Новосибирский национальный  
исследовательский государственный университет»  
Факультет естественных наук  
Кафедра цитологии и генетики

РЕКОМБИНАЦИОННЫЕ ЛАНДШАФТЫ ГЕНОМОВ  
У ПРЕДСТАВИТЕЛЕЙ ИНФРАОТРЯДА ГЕККОНООБРАЗНЫЕ  
(ГЕККОТА, REPTILIA)

**Катерина Валерьевна Тишакова**

Руководитель: д.б.н., проф. П. М. Бородин, завлаб. ИЦиГ СО РАН

Объем работы: 44 страницы, 19 рисунков, 9 таблиц, 50 источников литературы.

*Цель:*

Изучение рекомбинационных характеристик у представителей инфраотряда Гекконообразные (Gekkota) для выяснения влияния эволюционных факторов на изменение интенсивности уровня рекомбинации.

*Методы проведенных исследований:*

Приготовление препаратов распластанных хромосом по Петерсу, иммуноокрашивание (СК, центромеры, точки рекомбинации), Ag-NOR окрашивание, микроскопирование на флуоресцентном и электронном микроскопах, штрихкодирование ДНК, обработка и анализ данных в программах MicroMeasure 3.3, STATISTICA 6.0, ISIS4.

*Основные результаты:*

В результате проделанной работы впервые исследовано число и распределение сайтов рекомбинации на хромосомах для видов *P. bastardi*, *P. picta*, *H. platyurus* (Gekkonidae) и *R. auriculatus* (Diplodactylidae). Оказалось, что представители семейства Gekkonidae имеют консервативные паттерны рекомбинации, что было подтверждено сравнительным анализом гомологичных хромосом. Выявленные различия в интенсивности и распределении частот рекомбинации между представителями Gekkonidae и Diplodactylidae могут быть обусловлены разной морфологией хромосом и разной структурой популяций.